



# 日 程 表

5月19日 困		5月20日 金	
8:00			
8:30~	受 付		8:30~9:00 モーニングセミナー M-1 タカラバイオ <b>2F 大会場</b>
9:00			9:00~ 受 付
9:30~9:40	開会挨拶 <b>2F 大会場</b>	9:20~11:20	一般講演 <b>2F 大会場</b>
9:40~11:40	一般講演 <b>2F 大会場</b>	9:20~ 9:50 山田 泰広 (京都大学)	
	9:40~10:10 白髭 克彦 (東京大学)	9:50~10:20 平岡 泰 (大阪大学)	
	10:10~10:40 谷本 啓司 (筑波大学)	10:20~10:50 塩見 美喜子 (慶応義塾大学)	
	10:40~11:10 亀井 康富 (東京医科歯科大学)	10:50~11:20 白川 昌宏 (京都大学)	
	11:10~11:40 吉田 稔 (理化学研究所)		
11:00		11:30~12:00	総 会 <b>2F 大会場</b>
12:00	12:00~13:00 ランチョンセミナー	12:00~13:00	ランチョンセミナー
	L-1 <b>2F 大会場</b> 和光純薬工業	L-3 <b>2F 大会場</b> ニューイングランドバイオラボ・ジャパン	L-4 <b>1F 中会場</b> アジレント・テクノロジー
	L-2 <b>1F 中会場</b> イルミナ		
13:00		13:00~14:00	<b>2F ロビー &amp; ローズルーム</b> ポスター討論 B (偶数)
13:20~15:50	一般講演 <b>2F 大会場</b>		
	13:20~13:50 立花 誠 (京都大学)	14:30~15:00	特別講演 <b>2F 大会場</b> 早津 彦哉 (岡山大学)
	13:50~14:20 五十嵐 和彦 (東北大学)	15:00~15:30	奨励賞受賞者講演 <b>2F 大会場</b>
	14:20~14:50 浦 聖恵 (大阪大学)	15:30~16:00	次回年会長講演 <b>2F 大会場</b> 牛島 俊和 (国立がんセンター研究所)
	14:50~15:20 田辺 秀之 (総合研究大学院大学)	16:00~16:10	閉会挨拶 <b>2F 大会場</b>
	15:20~15:50 島本 功 (奈良先端科学技術大学院大学)		
16:00	16:10~17:10 ティータイムセミナー <b>2F 大会場</b>		
	T-1 ライフテクノロジーズ ジャパン		
	T-2 シグマ アルドリッチ ジャパン		
17:00			
17:20~18:20	<b>2F ロビー &amp; ローズルーム</b>		
	ポスター討論 A (奇数)		
18:00			
18:30~20:30	<b>2F 大会場</b>		
	懇 親 会		
19:00			
20:00			
21:00			

幹 事 会 : 5月19日 困 12:00 ~ 13:00 (KKRホテル熊本 3F 金峯・市房)

# プログラム

5月19日(日)

---

8:30	受付開始	
9:30～9:40	開会挨拶	

---

9:40～10:10		座長：油谷 浩幸(東京大学先端科学技術研究センター)
<b>O-1</b>	<b>Hdac8欠損型コヒーシン病に見られるコヒーシン代謝異常 —コヒーシンアセチル化制御とその意義—</b>	
	白髭 克彦(東京大学エピゲノム疾患研究センター)	

---

10:10～10:40		座長：副島 英伸(佐賀大学医学部)
<b>O-2</b>	<b>酵母人工染色体トランスジェニック・マウスを用いたゲノム刷り込み メカニズムの解析</b>	
	谷本 啓司(筑波大学大学院生命環境科学研究科)	

---

10:40～11:10		座長：塩田 邦郎(東京大学大学院農学生命科学研究科)
<b>O-3</b>	<b>生活習慣病と DNA メチル化 ：新生仔期の肝臓における de novo 脂肪合成のエピジェネティクス制御</b>	
	亀井 康富(東京医科歯科大学難治疾患研究所)	

---

11:10～11:40		座長：中島 欽一(奈良先端科学技術大学院大学)
<b>O-4</b>	<b>エピジェネティクスを標的としたケミカルバイオロジーと治療戦略</b>	
	吉田 稔(理化学研究所基幹研究所)	

---

11:40～12:00	休憩(ポスター貼付)	
-------------	------------	--

---

12:00～13:00	ランチョンセミナー	
<b>L-1</b>	和光純薬工業株式会社(大会場)	
	演題1 新しい安定発現細胞株の樹立用ベクター「pEBMulti」のご紹介	
	船越 拓(和光純薬工業株式会社 試薬開発部)	
	演題2 自動化免疫沈降の実施と応用について	
	銀屋 治巳(ジェネティン株式会社)	
<b>L-2</b>	イルミナ株式会社(中会場)	
	DNA メチル化解析に新たな進展 ～第3世代のマイクロアレイで高精度・高密度・高速な解析を実現～	
	■「第3世代のマイクロアレイ： 高精度・高密度・高速 DNA メチル化解析を可能にした HumanMethylation450」	
	登内 未緒(イルミナ株式会社マーケティング部)	
	■招待講演	
	油谷 浩幸／永江 玄太(東京大学先端科学技術研究センター)	

---

12:00～13:00 幹事会

---

13:20～13:50

座長：齊藤 寿仁（熊本大学大学院自然科学研究科）

**O-5** ヒストンのメチル化による細胞系列特異的な転写の抑制機構について

立花 誠（京都大学ウイルス研究所）

---

13:50～14:20

座長：眞貝 洋一（京都大学ウイルス研究所）

**O-6** 核内複合体による SAM 合成とヒストンメチル化の共役能

五十嵐和彦（東北大学大学院医学研究科）

---

14:20～14:50

座長：古関 明彦（理化学研究所免疫・アレルギー科学総合研究センター）

**O-7** ヒストンの多種多様性を介したエピジェネティック制御

浦 聖恵（大阪大学大学院医学系研究科）

---

14:50～15:20

座長：谷 時雄（熊本大学大学院自然科学研究科）

**O-8** 細胞核と染色体構造の動態：核内空間配置に関する分子基盤について

田辺 秀之（総合研究大学院大学先導科学研究科）

---

15:20～15:50

座長：角谷 徹仁（国立遺伝学研究所）

**O-9** 植物のジーンサイレンシング

島本 功（奈良先端科学技術大学院大学バイオサイエンス研究科）

---

16:10～17:10 ティータイムセミナー

16:10～16:40 ライフテクノロジーズジャパン株式会社

**T-1** EPIGENETICS 解析を簡便化する新 TOOL の開発

Junko Stevens (Life Technologies)

16:40～17:10 シグマ アルドリッチ ジャパン株式会社

**T-2** Precision Genome Editing Using Engineered Zinc Finger Nucleases

—ゲノム工学の革命 あらゆる生物／細胞のゲノム改変を可能とするツール—

杉本 義久（シグマ アルドリッチ ジャパン株式会社）

---

17:20～18:20 ポスター討論 A（奇数）

---

18:30～20:30 懇親会

5月20日(金)

---

8:30～9:00 モーニングセミナー

**M-1** タカラバイオ株式会社  
エピジェネティクス解析用試薬のご紹介  
～タカラバイオ製品&受託サービス活用術～  
吉崎 美和(タカラバイオ株式会社)

---

9:00 受付開始

---

9:20～9:50 座長：梅澤 明弘(国立成育医療研究センター)

**O-10** iPS 細胞のエピジェネティクス  
山田 泰広(京都大学 iPS 細胞研究所)

---

9:50～10:20 座長：木村 宏(大阪大学大学院生命機能研究科)

**O-11** 分裂酵母の細胞核ダイナミクス  
平岡 泰(大阪大学大学院生命機能研究科)

---

10:20～10:50 座長：中山 潤一(理化学研究所)

**O-12** PIWI-interacting small RNA の生合成機構  
塩見美喜子(慶応義塾大学医学部)

---

10:50～11:20 座長：田嶋 正二(大阪大学蛋白質研究所)

**O-13** DNA メチル化の機能発現、維持、変換の分子機構  
白川 昌宏(京都大学大学院工学研究科)

---

11:20～11:30 休 憩

---

11:30～12:00 総 会

---

12:00～13:00 ランチョンセミナー

**L-3** ニュー・イングランド・バイオラボ・ジャパン株式会社(大会場)

エピジェネティクス解析のための新規ツール

— 新規メチル化依存性 DNA 切断酵素および5-hmC/5-mC 解析ツールのご紹介

斎藤 泰、坂井 章浩(ニュー・イングランド・バイオラボ・ジャパン株式会社)

**L-4** アジレント・テクノロジー株式会社(中会場)

演題1 がんの生物学的特性を制御するエピジェネティック機構

近藤 豊(愛知県がんセンター研究所 分子腫瘍学部)

演題2 長鎖ノンコーディング RNA プロファイリングと  
メチローム解析へのアジレントの取り組み

田谷 敏貴(アジレント・テクノロジー株式会社)

---

13:00～14:00 ポスター討論 B(偶数)

---

14:00～14:30 休 憩(ポスター 撤去)

---

14:30～15:00 特別講演 座長：佐々木裕之(九州大学生体防御医学研究所)

バイサルファイト法による DNA メチル化検出の起源・発展

早津 彦哉(岡山大学薬学部)

---

15:00～15:30 奨励賞受賞者講演 座長：中尾 光善(熊本大学発生医学研究所)

**P-10** エピジェネティック情報を持つヌクレオソームコア粒子の試験管内再構成

梅原 崇史(理化学研究所 生命分子システム基盤研究領域)

**P-11** DNA メチル化による神経発生制御機構

波平 昌一(奈良先端科学技術大学院大学 バイオサイエンス研究科)

---

15:30～16:00 次回年会長講演 座長：向井 常博(西九州大学)

人生を刻むエピゲノム変化

牛島 俊和(国立がんセンター研究所)

---

16:00～16:10 閉会挨拶

## ポスター発表

- P-1** マウス生殖細胞におけるヒストンリシンメチル化状態の解析  
出口 勝彰(京都大学ウイルス研究所)
- P-2** ヒト乳腺幹細胞におけるヒストン修飾及び DNA メチル化の網羅的解析  
丸山 玲緒(札幌医科大学医学部)
- P-3** SINE 配列から見るマウス生殖細胞における DNA メチル化機構と転写制御  
一柳 健司(九州大学生体防御医学研究所)
- P-4** H19-ICR は隣接するヘテロな DNA 断片を刷り込みメチル化する活性を持つ  
岡村 永一(筑波大学・院 生命環境)
- P-5** 人工多能性幹細胞における Tet1 の機能解析  
有岡 祐子(京都大学 iPS 細胞研究所)
- P-6** ウシ単為発生胚由来線維芽細胞を用いたマイクロアレイによる新規インプリント遺伝子の探索  
金田 正弘((独)農研機構 畜産草地研究所)
- P-7** マウス卵子における non-CpG メチル化機構の解析  
白根 健次郎(九大・生医研)
- P-8** 転写因子 NFIA によって誘導される Olig1 遺伝子プロモーターの脱メチル化  
蟬 克憲(奈良先端科学技術大学院大学)
- P-9** 組織特異的 DNA メチル化の発生過程におけるダイナミックな変化  
永瀬 浩喜(千葉県がんセンター研究局)
- P-10** エピジェネティック情報を持つヌクレオソームコア粒子の試験管内再構成  
梅原 崇史(理化学研究所 生命分子システム基盤研究領域)
- P-11** DNA メチル化による神経発生制御機構  
波平 昌一(奈良先端科学技術大学院大学)
- P-12** PRDM14 による DNA 脱メチル化機構の解明  
海老 邦昭(関西学院大学大学院)
- P-13** 組織分化過程における低 CpG プロモーターの脱メチル化  
永江 玄太(東京大学先端科学技術研究センター)
- P-14** ヒト不活性 X 染色体に局在する新規タンパク質のマウスホモログの単離と解析  
坂口 武久(九州大学 生体防御医学研究所)
- P-15** iPS 細胞におけるエピゲノム状態の解析  
渡辺 亮(京都大学 iPS 細胞研究所)
- P-16** ゲノムワイドな DNA メチル化解析のためのメチル化 DNA 回収方法および  
バイオインフォマティクス手法の検討  
鵜飼 智代(京都大学 iPS 細胞研究所)
- P-17** CTCF は神経細胞の個性化に関与し、シナプスの発達、体性感覚地図の形成に必須である  
平山 晃斉(大阪大学 大学院生命機能機能研究科)
- P-18** 単為発生胚由来 ES 細胞の腫瘍形成とインプリント遺伝子  
堀居 拓郎(群馬大学 生体調節研究所)

- P-19** ヒト iPS 細胞の長期培養における異常メチル化動態の解析  
西野 光一郎(独立行政法人 国立成育医療研究センター)
- P-20** X 線結晶構造から考察する Dnmt1 による維持メチル化機構  
竹下 浩平(大阪大学蛋白質研究所)
- P-21** PWS-IC メチル化による PWS(プラダー・ウィリー症候群)モデルマウスの解析  
木住野 達也(長崎大学先端生命科学研究支援センター)
- P-22** 14 番染色体インプリンティング遺伝子の胎盤における機能と発現調節メカニズムの解明  
鏡 雅代(国立成育医療研究センター)
- P-23** シロイヌナズナ突然変異体を用いた DNA メチル化の下流で働く因子の解析  
西村 泰介(名古屋大学 生物機能開発利用研究センター)
- P-24** 反復配列 Alu の低メチル化は食道扁平上皮がん及び非がん部粘膜に存在する  
松田 恭典(国立がん研究センター研究所)
- P-25** 心筋症における DNA 低メチル化に伴うアルドステロン合成酵素遺伝子の活性化  
出村 昌史(金沢大学附属病院)
- P-26** エピジェネティックに不活化された遺伝子の中からがん抑制遺伝子を選別する方法の開発  
菊山 みずほ(国立がんセンター研究所)
- P-27** 癌においてエピジェネティックに発現が抑制されている microRNA の同定  
清水 崇(札幌医科大学)
- P-28** 原因不明のシルバーラッセル症候群患者 75 例の分子遺伝学的解析  
福家 智子(国立成育医療研究センター研究所)
- P-29** DNA メチル化異常誘発要因としての過剰なテストステロン  
山下 聡(国立がん研究センター研究所)
- P-30** 多発性骨髄腫における次世代シーケンサーを利用したメチローム解析  
野島 正寛(札幌医科大学医学部)
- P-31** DNA メチル化異常の網羅的な解析による胃癌関連遺伝子の検索  
高丸 博之(札幌医科大学)
- P-32** 大腸癌における H3K9 脱メチル化酵素 KDM4C の発現異常とその意義の検討  
立石 敬介(東京大学医学系大学院)
- P-33** 腸内細菌叢の変化は炎症によるマウス大腸上皮における DNA メチル化異常の誘発に影響する  
丹羽 透(国立がん研究センター研究所)
- P-34** 微少変化型ネフローゼ症候群における単球及びナイーブ T ヘルパー細胞の DNA メチル化解析  
小林 靖子(群馬大学大学院医学系研究科)
- P-35** 大腸癌における miRNA 遺伝子のエピジェネティックな制御の解析  
鈴木 拓(札幌医科大学)
- P-36** DNA メチル化異常誘発に対する感受性は、ゲノム構造及びエピジェネティック因子により規定される  
竹島 秀幸(国立がん研究センター研究所)
- P-37** ゲノム網羅的 DNA メチル化解析を用いた新規がん遺伝子の探索  
服部 奈緒子(国立がん研究センター研究所)

- P-38** 甲状腺乳頭癌、濾胞癌におけるエピジェネティック変異に関する検討  
菊池 弥寿子(東京大学先端科学技術研究センター)
- P-39** 大腸癌前癌病変における DNA メチル化エピジェノタイプ  
八木 浩一(東京大学先端科学技術研究センター)
- P-40** iPS 細胞作製技術を用いた腫瘍細胞エピジェネティクス修飾異常の強制変化  
橋本 恭一(京都大学 iPS 細胞研究所)
- P-41** 慢性障害肝における DNA メチル化状態を指標とした発がんリスク評価の肝生検検体を用いた臨床応用  
長塩 亮(国立がん研究センター研究所)
- P-42** エキソーム解析による 2 型 ICF 症候群の新規原因遺伝子探索  
新田 洋久(九州大学生体防御医学研究所)
- P-43** 全ゲノム片親性ダイソミー症例の DNA メチル化解析によるヒト新規インプリント遺伝子の同定  
田山 千春(国立成育医療研究センター研究所)
- P-44** 炎症性刺激をうけた内皮細胞において転写の波の進行に伴ってエピゲノム修飾が活発に書き換えられる  
和田 洋一郎(東京大学先端科学技術研究センター)
- P-45** 異常妊娠のエピゲノム解析  
山口 裕子(国立成育医療研究センター研究所)
- P-46** 妊娠期亜鉛欠乏は雄性仔の成長後の骨折リスクを高める ～骨粗鬆症モデルマウスでの検討  
長田 昌士(榊明治 研究本部 食機能科学研究所)
- P-47** 精子形成不全をしめす Cldn11 (T27I/T27I) マウスの雄性生殖細胞において DMR のメチル化状態は正常に保たれる  
山口 佑季(東京医科歯科大学 難治疾患研究所)
- P-48** 腎細胞がん発生過程における DNA メチル化異常の網羅的解析  
新井 恵吏(国立がん研究センター研究所)
- P-49** 肺線がんの生物学的特性に関わるエピジェネティクス異常の解析  
新城 恵子(愛知県がんセンター研究所)
- P-50** 転座 t(X; 15) (p21.1; q11.2) においてエピゲノム解析で明らかになった X 不活化の常染色体への波及  
坂爪 悟(獨協医大越谷病院)
- P-51** ゼブラフィッシュとマウスの体細胞に生じる加齢依存的なエピジェネティック変化  
下田 修義(国立長寿医療研究センター)
- P-52** 挿入的クロマチン免疫沈降法 (iChIP) による特定ゲノム領域エピジェネティクス制御機構の生化学的解析  
藤井 穂高(大阪大学 微生物病研究所)
- P-53** HERS を介した細胞周期依存的なヒストン遺伝子発現抑制機構の解明  
伊藤 紗弥(東京大学分子細胞生物学研究所)
- P-54** エピジェネティックな異常を指標とした新しい大腸癌の診断方法の開発  
神前 正幸(札幌医科大学)
- P-55** DNA メチル化は Robo4 遺伝子を血管内皮細胞特異的に発現させる  
岡田 欣晃(大阪大学大学院薬学研究科)

- P-56** サブナノグラムからはじめるゲノム網羅的バイサルファイトシークエンシング  
三浦 史仁(東京大学大学院理学系研究科)
- P-57** 個々の細胞レベルで領域特異的な DNA メチル化を可視化する新技術  
李 玉鳳(九州大学生体防御医学研究所)
- P-58** Ring1B ノックダウンによる iPS 細胞誘導効率の改善  
山田 大輔(理化学研究所 免疫アレルギー科学総合研究センター)
- P-59** Polycomb 遺伝子 Bmi1 による胸腺環境での異なる制御ネットワーク  
菅野 雅元(広島大学大学院医歯薬学総合研究科)
- P-60** MacroH2A-EGFP を利用した着床前胚における X 染色体活性の可視化  
相馬 淳美(鳥取大学医学部生命科学科)
- P-61** マウス IgH における CTCF 結合部位の探索と IL-7 による制御  
並木 由佳(北海道大学大学院獣医学研究科)
- P-62** 受精卵における 5-メチルシトシンから 5-ヒドロキシメチルシトシンへの変換  
中村 肇伸(大阪大学大学院 医学系研究科)
- P-63** HP1  $\gamma$  による P19 細胞の分化多能性の制御  
長谷川 輝(鳥取大学 大学院医学系研究科)
- P-64** クロマチンの活性化によるヒト ES/iPS 細胞由来心筋細胞の成熟化促進  
多田 政子(鳥取大学 染色体工学研究センター)
- P-65** トランスフェクションを用いたマウス卵母細胞中での Chd1 の機能解析  
鈴木 伸之介(京都大学農学研究科)
- P-66** ユビキチン化ヒストン H2A の ES 細胞における局在と役割  
遠藤 充浩(理化学研究所 免疫・アレルギー科学総合研究センター)
- P-67** UHRF1 複合体に含まれる JMJD6 によるヒストンリジン残基の水酸化について  
鵜木 元香(九州大学生体防御医学研究所)
- P-68** 新規ヒストン H3 結合因子 HiTAP1 は H3/H4 を解離させる  
田上 英明(名古屋市立大学 大学院システム自然科学研究科)
- P-69** ヒト 15q11-q13 領域におけるアレル特異的クロマチン脱凝集の解析  
堀家 慎一(金沢大学 フロンティアサイエンス機構)
- P-70** 分裂酵母プライミング因子 Prp14p の RNAi を介した  
セントロメアヘテロクロマチン形成への関与  
弓掛 辰洋(熊本大学自然科学研究科)
- P-71** 出芽酵母におけるエピジェネティックな遺伝子発現調節機構の解明  
沖 昌也(福井大学大学院工学研究科)
- P-72** 細胞周期におけるヒストン H3 Ser10 リン酸化修飾と DNA メチル化の生細胞イメージング  
佐藤 優子(大阪大・生命機能)
- P-73** 転写制御因子 Csk1 によるセントロメアサイレンシング機構  
鈴木 詔大(北海道大学 大学院総合化学院)
- P-74** ヘテロクロマチン蛋白質 1  $\alpha$  の再構成ヌクレオソームに対する結合の生化学的解析  
三島 優一(阪大 蛋白研)

- P-75** 再構成ヌクレオソーム構造に対する HP1g の新規な結合様式  
ジャヤシンハ チャニカ(阪大 蛋白研)
- P-76** Phosphorylation of RNAPII-CTD regulates heterochromatin  
梶谷 卓也(北海道大学理学院)
- P-77** hSNF5は p53 依存性機序と p53 非依存性機序で p21 の転写を制御する  
梶原 康通(京都府立医科大学大学院医学研究科)
- P-78** 子宮内膜症細胞に対するバルプロ酸と SAHA のエピジェネティック修飾による治療効果  
川野 由紀枝(大分大学医学部)
- P-79** Jumonji-C ファミリー脱メチル化酵素 KDM7A による p53 の活性化制御機構  
米沢 理人(東京大学先端科学技術研究センター)
- P-80** HDAC 阻害剤による小胞体ストレス誘導型アポトーシスの抑制機構の解析  
細川 竜(関西大学大学院 理工学研究科)
- P-81** ラット肝臓の NAD 依存性脱アセチル化酵素 Sirt1,6 に対する加齢と長期食餌制限の影響  
川上 恭司郎(順天堂大学大学院スポーツ健康医科学研究所)
- P-82** c-Abl チロシンキナーゼによるヒストンアセチル化レベルの低下を伴うクロマチン構造変換  
青山 和正(千葉大学 薬学研究院)
- P-83** 核内巨大分子量複合体を介したクロマチン構造調節機構の解明  
藤山(中村) 沙理(東京大学 分子細胞生物学研究所)
- P-84** 新規チオアミド系化合物 SH-2251 による IL-5 遺伝子座クロマチンリモデリング阻害機構の解析  
鈴木 淳平(かずさ DNA 研究所)
- P-85** FabLEM を用いたヒストン H3 のメチル化とアセチル化の生細胞ダイナミクス  
木村 宏(大阪大学 生命機能研究科)
- P-86** 受動的 DNA 脱メチル化後の DNA 損傷誘導には UHRF1 が関与する  
杉村 和人(三重大学大学院医学系研究科)
- P-87** SUMO 認識型ユビキチンリガーゼ RNF4 による TDG グリコシラーゼと DNA 脱メチル化の制御  
藤光 由佳(熊本大学大学院 自然科学研究科)
- P-88** De novo 型 DNA メチル化酵素 Dnmt3a2 とコリプレッサータンパク質 Trim28 の結合様式の検討  
木村 博信(大阪大学蛋白質研究所)
- P-89** ヒト CENP-A を含むセントロメア特異的ヌクレオソームの立体構造  
胡桃坂 仁志(早稲田大学理工学術院 先進理工学研究科)
- P-90** UTX/KDM6A による H3K27me3/2 特異的脱メチル化の構造的基盤  
仙石 徹(理化学研究所横浜研究所)
- P-91** ピキア酵母を用いたエピジェネティクス制御因子複合体の構造解析に向けた技術開発  
肥後 聡明(横浜市立大学大学院 生命ナノシステム科学研究科)
- P-92** Live cell imaging of Xic pairing in differentiating ES cells and the establishment of allelic asymmetry during random X inactivation  
増井 修(理化学研究所)
- P-93** イネ生殖細胞特異的 Argonaute タンパク質 MEL1 と結合する small RNAs の同定  
小宮 怜奈(国立遺伝学研究所)

- P-94** in vitro 卵活性化依存的に発現する promoter-associated noncoding RNA の同定  
浜崎 伸彦(京都大学 理学研究科)
- P-95** マウス刷込み遺伝子 *Sfmbt2* イントロンに局在する microRNA クラスターの発現解析  
佐藤 俊(国立成育医療研究センター研究所)
- P-96** Xist RNA の 5' 領域の X 染色体不活化における役割  
酒田 祐佳(九州大学 生体防御医学研究所)
- P-97** 骨芽細胞分化に関わる microRNAs の同定  
江口 傑徳(国立長寿医療研究センター)
- P-98** セントロメアヘテロクロマチン形成への分裂酵母基本転写因子複合体 TFIIH 構成因子 Ptr8p の関与  
水谷 文哉(熊本大学大学院 自然科学研究科)
- P-99** エピジェネティックな遺伝子発現制御に対する RNA 分解経路の関与  
秋光 信佳(東京大学 アイソトープ総合センター)
- P-100** 胃癌細胞において脱メチル化剤処理により発現増加する複数の miRNA とその共通の標的遺伝子の解析  
橋本 裕(東京医科歯科大学大学院)
- P-101** 長鎖ノンコーディング RNA による INK4 locus 制御機構  
神武 洋二郎(浜松医科大学)
- P-102** 体細胞クローニングによって誘導されるマウスの遺伝子発現変化  
幸田 尚(東京医科歯科大学難治疾患研究所)
- P-103** メダカ近交系統を利用したアレル特異的な発現量を親子間で比較する新手法  
村田 泰彦(東京大学大学院 新領域創成科学研究科)
- P-104** ヒストン H3K27 トリメチル化による CYP19 遺伝子のプロモーター選択機構  
石原 悟(藤田保健衛生大学医学部)
- P-105** Kiss1 遺伝子におけるクロマチン高次構造変換を介した発現調節機構  
富川 順子(名古屋大学 生命農学研究科)
- P-106** RNA 輸送分子 GANP による免疫グロブリン V 領域遺伝子座転写標的  
前田 和彦(熊本大学大学院生命科学研究部)
- P-107** 低酸素下での ANGPTL4 誘導における HIF1  $\alpha$  および PPAR  $\delta$  の協調的作用  
井上 剛(東京大学先端科学技術研究センター)
- P-108** 転写因子 GATA4/5 による miRNA の発現解析  
秋山 好光(東京医科歯科大 分子腫瘍医学)
- P-109** DNA メチル化による脂肪合成酵素 GPAT1 遺伝子発現のエピジェネティクス制御  
江原 達弥(東京医科歯科大学難治疾患研究所)
- P-110** GATA3 ChIP-sequence 解析を用いた Th2 特異的遺伝子の転写調節機構の解明  
堀内 周(東京理科大学 生命科学研究所)
- P-111** エンハンサー遮断効果とバリアー活性を示す *Ccnb1ip1* インスレーター配列の同定  
吉田 亘(国立成育医療研究センター研究所)

- P-112** 発声行動依存的に誘導されるエピジェネティックな脳内遺伝子発現調節が音声発声学習の臨界期制御に関与する  
小林 雅比古(北海道大学 大学院生命科学院)
- P-113** 記憶を担う細胞の同定とエストロゲンを介したその制御機構  
杉 拓磨(京都大学 物質-細胞統合システム拠点)
- P-114** オーフアン核内受容体 HNF4 の翻訳後修飾の網羅的解析  
横山 敦(東京大学分子細胞生物学研究所)
- P-115** COX-2 のメチル化を介した脂肪細胞の分化制御機構の解析  
木村 紘子(大阪薬科大学)
- P-116** Regulation of Sp6 expression and function in dental epithelial cells  
Trianna W. Utami (The University of Tokushima, Tokushima, Japan)
- P-117** 選択的スプライシング制御に関わる細胞核内構造  
齊藤 典子(熊本大学発生医学研究所)
- P-118** 神経幹細胞性質変換に伴う遺伝子座の核内配置の変動解析  
伊藤 謙治(群馬大学大学院医学系研究科)
- P-119** 染色体ペ어링を介した遺伝子発現制御機構の解明  
目黒-堀家 牧子(金沢大学 フロンティアサイエンス機構)
- P-120** 癌組織における細胞形態の定量的解析  
徳永 和明(熊本大学発生医学研究所)
- P-121** 乳癌における ER  $\alpha$  遺伝子増幅とホルモン治療についての検討  
富田 さおり(熊本大学発生医学研究所)
- P-122** ヒト好中球の分化に伴う核分葉化の分子制御  
河田 仁(熊本大学大学院 自然科学研究科)
- P-123** 父性発現インプリンティング遺伝子 Peg10 の機能解析  
小野 竜一(東京医科歯科大学難治疾患研究所)
- P-124** 大腸腫瘍におけるエピジェネティクス異常と内視鏡診断の橋渡し研究  
山本 英一郎(札幌医科大学)
- P-125** マウス肝臓における DNA メチル基転移酵素 Dnmt3b 発現の概日周期の制御機構  
野原 恵子(国立環境研究所)
- P-126** メチル欠乏食及びヒ素投与に伴う DNA 低メチル化における酸化 DNA 損傷と DNA メチル基転移酵素の関与  
内匠 正太((独)国立環境研究所)
- P-127** Dnmt1 と Np95/Uhrf1 の機能的な相互作用  
ベルキュレク アハメト ジャン(阪大 蛋白研)
- P-128** Dnmt1 の活性にはたす複製フォーク標的化シグナル(RFTS)の役割  
中村 達郎(大阪大学蛋白質研究所)
- P-129** メチル化 CpG 結合蛋白質 MBD4 による DNA 認識の構造的基盤  
大谷 淳二(京大 院工)